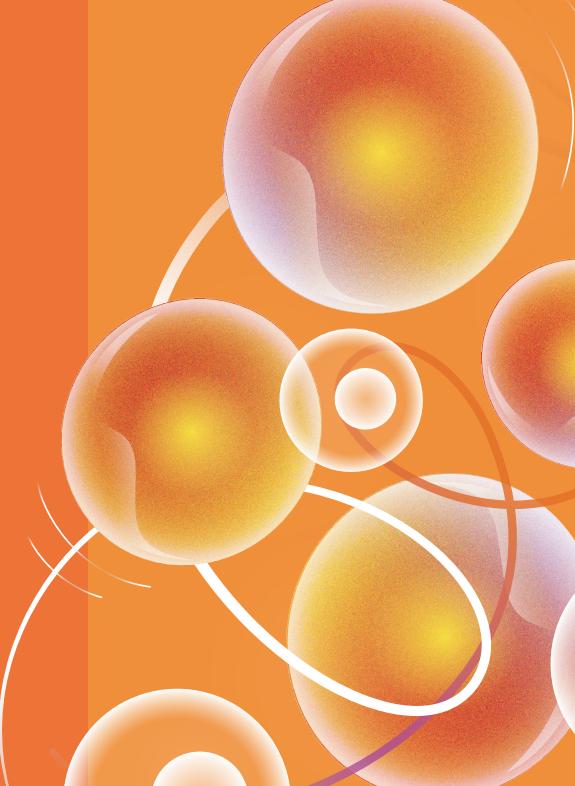


단일세포 연구의 새 장을 여는 NextSeq™ 1000 & 2000 시스템

Illumina Single Cell 3' RNA Prep은 미세유체 기술이 필요 없는 직관적이고 확장 가능한 워크플로우를 통해 더 많은 랩에 단일세포 RNA 시퀀싱(single-cell RNA sequencing, scRNA-Seq)을 도입할 수 있는 기회를 제공합니다. 이제 NextSeq 1000/2000 시스템으로 기존 단일세포 시퀀싱 방법의 예산적, 기술적 제약에서 벗어나 보다 다양하고 큰 규모의 연구를 시작해 보세요.



랩의 scRNA-Seq 역량 확장



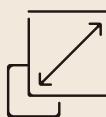
사용이 용이한 워크플로우

- 최소한의 장비 또는 미세유체 소모품을 사용해 워크플로우 간소화
- 랩 일정에 맞춰 안전한 중단 지점에서 유연하게 실험 중지 후 재개 가능
- 시퀀싱 직후 클라우드에서 DRAGEN™ Single Cell 파이프라인 자동 실행



자율적인 솔루션

- 한 업체를 통해 세포 포획부터 라이브러리 준비, 시퀀싱, 3차 분석까지
- 랩에서 자체 개발한 워크플로우로 샘플 처리부터 결과 보고까지 신속하게



유연한 확장성

- 다양한 크기의 키트를 선택해 수백에서 수백만 개의 세포 포획
- 프로젝트에 요구되는 데이터 아웃풋에 따라 알맞은 Illumina 시퀀싱 시스템으로 확장



광범위한 활용성

- 프로토타이핑부터 연약한 세포와 복합 조직까지 폭넓은 애플리케이션 지원
- 적정한 가격의 단일세포 시퀀싱 솔루션으로 시스템 활용 확대



시퀀싱 시스템 한 대로 확장되는 연구 범위

단 한 대의 NextSeq 1000/2000 시스템으로 획기적인 연구 결과를 얻어 보세요.

다양한 유형의 세포 사용 지원

- 1차 세포
- 장기유사체
- 복합 조직

다양한 연구용 애플리케이션 지원

- 암 세포 이질성 분석
- 면역 세포 타입 프로파일링
- 발생 계통 추적
- 약물 반응 특성 파악

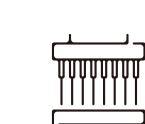
유연한 Illumina Single Cell 3' RNA Prep 워크플로우

| 키트 | 플로우 셀 | 플로우 셀당 샘플 처리량* | 샘플당 포획 세포 수 | 워크플로우 소요 시간 |
|----|----------------|----------------|-------------|-------------|
| T2 | P1, P2, P3, P4 | 2~45개 | 2,000개 | 22~34시간 |
| | P2, P3, P4 | 2~9개 | 10,000개 | 26~34시간 |
| | P3, P4 | 1~4개 | 20,000개 | 32~34시간 |

* 포획한 세포당 2만 개의 리드(read)를 기준으로 계산한 숙련된 사용자에게 권장되는 처리 샘플 수. 실제 성능은 세포 계수 정확도, 세포 포획 효율, 유전자 발현 민감도에 따라 상이할 수 있음

** P3 및 P4 플로우 셀은 NextSeq 2000 시스템에서만 사용 가능

Illumina만이 제공할 수 있는 빠르고 유연한 단일세포 시퀀싱 솔루션



라이브러리 준비



시퀀싱



데이터 분석

Illumina Single Cell 3' RNA Prep

NextSeq 1000 및 2000 시스템

DRAGEN Single Cell 파이프라인

최소한의 장비만을 사용해
다양한 유형 및 양의 세포로
라이브러리 준비

맞춤화된 워크플로우를 지원하는
다양한 키트 구성으로
짧아진 시퀀싱 런 타임(약 8시간)

Illumina Connected
Multiomics가 제공하는
포괄적인 워크플로우 사용

복잡함을 벗어나 차별화되는 능력을 확보하세요.

illumina.com/NextSeq-Expertise

연구 전용입니다. 진단 절차에는 사용할 수 없습니다.

© 2025 Illumina, Inc. All rights reserved.
M-KR-00336 KOR (원본 문서: M-GL-03811 v1.0)

